

Double-stranded methylation patterns of a 104-bp L1 promoter in DNAs from fetal fibroblast passages 10, 14, 17, and 22 using barcoded hairpin-bisulfite PCR. Fifteen L1 sequences were analyzed for passages 10, 14 and 17. Twelve L1 sequences were analyzed for passage 22. (Posted on the Laird Lab webpage 11-03-06).

FETAL FIBROBLASTS, PASSAGE 10

AB255 (98.2%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTTGGT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCCCGGTGGTGTGTTATGAGTGTG-

AB257 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTTTCG
GCTTAGTTTTTTTTTT--TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTGTGGGTGGTGTGTTATGAGTTTA-

AB258 (98.2%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTAATT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTATTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTGATAATAAGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTGTGGGTGGTGTGTTATGAGTAAAT-

AB261 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGTGTATTAAGTGATGTGTTTAA
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCCGTGGTGTGTTATGAGTTTA-

AB262 (98.2%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGTGTATTAAGTGATGTGTTTGG
GCTTAGTTTTTTTTTTTGGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGTGTGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTATCCGTGGTGTGTTATGATGA-TTAT-

AB263 (100%)

TTAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTAAT
GGTTAGTTTTTTTTTT-TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTGTGTTATGAGTGGG-

AB264 (98.2%)

TTAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTTGT
GGTTAGTTTTTTTTTTTGGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCCGTGGTGTGTTATGAGTGGT-

AB266 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTATGA
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCCGTGGTGTGTTATGAGTTTG-

AB267 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTTGT
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCCGTGGTGTGTTATGAGTTAT-

AB269 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCGTATTAAGTGATGTGTTTTC
GCTTAGTTTTTTTTTT-TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTGTGGGTGGTGTGTTATGAGTTGG-

AB270 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATGATGTTATTTGGAAAATCGGGTTATTTTATTTCGAATATTGCGTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAACCGTATTAAGTGATGTGTTAGAT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTATGGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCCGTGGTGTGTTATGAGTATA-

AB271 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTTTTA
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTGA-

AB273 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTGAGG
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTGA-

AB275 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAATAATCCCGATTAAAGTGATGTGTTGTTT
GGTTAGTTTT-TTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTCTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTAAG-

AB276 (100%)
TCAGTTAAAGAAAGGGATGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAAATAGCCATTAAAGTGATGTGTTGGGG
GGTTAGTTTTTTTTT-TATTCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTCTTGGGTGGTTGTTATGAGTTT-

FETAL FIBROBLASTS, PASSAGE 14

AB299 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAAGATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCCATTAGGTGATGTGTTATG
GGTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTTAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTAGG-

AB300 (100%)
TCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTATAT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTG-GGGTGGGCTTATGATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATG-GTTT--

AB301 (98.2%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGGTCTTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTGTAT
GGTTAGTTTTTTTTTTTCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTT--

AB302 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGG-GTGATGGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAGGAAAACCGTCATTAAAGTGATGTGTTATT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTATTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTGA-

AB303 (100%)
TCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCTTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGTCATTAAAGTGATGTGTTTTTA
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTT-

AB305 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTGTTT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTGA-

AB306 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTATAT
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATGATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATG-GTTT--

AB307 (100%)
TCAGTTAAAGAAAGGGGTGATCGACGTATTTGGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCTTTTTTTAGATCGGTTTAAAAAAATCGTCATTAAAGTGATGTGTTAATG
GTTAGTTTTTTTTTTTATTCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTT-TAATCTGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTTGTTATGAGTTAG-

AB308 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGATGATTTTGGAAAATCGGGTTTTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTATTG
GGTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGAGTGT-

AB310 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATGGATGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTAGAT
GGTTAGTTTTTTTTTATTATTATGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGAGTGTA-

AB311 (98.2%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATAGACGTATCTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTTGT
GGTTAGTTTTTTTTTATTGTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGAGTGAG-

AB313 (98.2%)
TCAGTTAAAGAAAGGGGTGATCGGTGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTTCAAATATTGCTTTTTATAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTTAG
GTTAGTTTTTTTTT--TATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTCTGTGTGGTTGTTATGAGTTGG-

AB314 (98.2%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGCGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTATAT
GGTTAGTTTTTTTTT--TATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATG-GTTT-

AB315 (98.2%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGATGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTGGTT
GGTTAGTTTTTTTTTTCTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGCATGTGGTTGTTATGAGTTTT-

AB316 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGCGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTTTATA
GGTTAGTTTTTTTTTATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGAGTAGA-

FETAL FIBROBLASTS, PASSAGE 17

AB341 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGCGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTTCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTGTA
GGTTAGTTTTTTTTTATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTGATGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGATG-

AB345 (98.2%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGGCGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTAGAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTTTG
GGTTAGTTTTTTTTTATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGTTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGCGGTGGTTGTTATGAAT-

AB346 (98.2%)
CCAGTTAAAGAAATAGGTGACCGGCGTATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGGTAATTAAAGTGATGTTTG
GGTTAGTTTTTTTTTATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGATGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGTTG-

AB347 (100%)
-AAGTTAAAGAAAGGG-GTGAACCGATTTTGGAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGTTT
GTTAGTTTTTTTTTATTGCTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSCTGAATTTTTTGGTGGGTGGTTGTTATGGGG-

AB351 (100%)
CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATGGATGTATTTTGGAAAATAGGTTATTTTTATTTCAAATATTGCTTTTTTAGATTTGTTTAAAGAAACCGCCATTAAAGTGATGAGT
GGTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTGTGTAGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGCTTATAATCGGAAAAGTTTGSATGAATTTTTTGTGGGTGGTTGTTATGTTG-

AB352 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATCGGACGTCTTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGTCATTAAAGTGATGTAAG
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTATTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGAGA-

AB353 (98.2%)

TAAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGATCGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCATATTGTATTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTTTTA
GTTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGAAGGTGATAATGTGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGAGG-

AB354 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTAGTG
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGTGT-

AB355 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGATCGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGTCATTAAAGTGATGTGGG
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTATGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGATGTGGTGTGTTATGTGA-

AB357 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTT-AGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTTTTA
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTAGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGTTA-

AB362 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATAGACGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTGTTT
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATAATGTGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGTTT-

AB364 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTGGTG
GCTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATGATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGGAA-

AB366 (100%)

TTAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGTCATTAAAGTGATGTATG
GGTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGTAT-

AB367 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTTGAAAAATCGGGTTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTATGG
GCTTAGTTTTTTTTT--TATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGGAA-

AB371 (98.2%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACCGACGTATTTTGAAAAATCGGGTATTTTTATTCCAAATATTGCCTTTTTTAGATCGGTTTAAAGAAAACGGCTATTAAAGTGATGTGAGT
GCTTAGTTTTTTTTTTTATTGCTTCCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAAGGTGGCTTTATAATCCGAAAAGTTTGCCTGAATTTTTTCTGGGTGGTGTGTTATGTGT-

FETAL FIBROBLASTS, PASSAGE 22

AB284 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATAG-ATGATTTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAAGAAATGGCGTATTA-GTGATGTGTAGGT
GCTTAGTTTTTTTTTTA-TGTTTGTGGATTTTTTAATTAGTGAGGGTGGATTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGCTGG-TTGTATGAGTTG-

AB285 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATTAGGTTATTTTATTGAAATATGCTTTTTTAGATCGTTT-AAAAATGGTGTATTA-GTGATGTGTATAG
GCTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGATTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGTGG-TTGTATGAGTAAG-

AB286 (100%)

TGAGTTAAAGAAAGGGGTGATCGATGATTTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAAGAAATGGTATATTAAGTGATGTGTGTTA
ATTAGTTTTTTTTTTATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGATTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGTGGTTTGTATGAGTTGG-

AB287 (98.2%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATCGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAAGAAATCGCGTATTAAGTGATGTGTGTTGA
GCTTAGTTTTTTTTT-TATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGTGGTTTGTATGAGTGAT-

AB288 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGATCGATATATTTTGGAAAATCGGATTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAA-AAAAATCGCGTATTAAGTGATGTGTGTTATG
GCTTAGTTTTTTTTTTATTGTTGTGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGATTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTGGG-

AB289 (98.2%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATTAGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAA-AAAAATGGTGTATTAAGTGATGTGTGTTA
GCTTAGTTTTTTTTTTATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGTGGTTTGTATGAGTGGT-

AB290 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAGTATTGCGTTTTTTAGATCGTTTAAGAAATCGCGTATTAAGTGATGTGTGTTATTG
GCTTAGTTTTTTTTTTATTATTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTAAG-

AB292 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAA-AAAAATCGGCGTATTAAGTGATGTGTGTTT
GTTTAGTTTTTTTTTTATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTTA-

AB293 (100%)

TGAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATCGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAA-AAAAATCGCGTATTAAGTAATGTGTTATTT
GTTTAGTTTTTTTTTTATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGCTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTTT-

AB295 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGATGATTTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTTAAGAAATCGCGTATTAAGTGATGTGTGTTGG
GCTTAGTTTTTTTTTTATTGCTTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTTGT-

AB296 (100%)

TGAGTTAAAGAAAGGGGTGATAGATGATTTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAAATATGATTTTTTAGAATCGTTTAA-AAAAATCGCGTATTAAGTGATGTGTGAGA
ATTAGTTTTTTTTTTATTGTTGTGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGGTTATGATGTTGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTTGT-

AB297 (100%)

CCAGTTAAAGAAAGGGGTGACGACGTATTTGGAAAATGGGTTATTTTATTGAAATATGCGTTTTTTAGATCGTTT-AAAAATCGGCGTATTAAGTGATGTGTGTTGTT
GCTTAGTTTTTTTTT-TGTTGCTTTCGTGGATTTTTTAGTTTAGTGAGGGTGGGTTATAATCGGAAAAGTTGCGTGAATTTTTGTTGTGGTTTGTATGAGTGAA-

Double-stranded methylation patterns of L1 promoter sequences in DNAs from fetal fibroblast passages 10, 14, 17 and 22, using barcoded hairpin-bisulfite PCR. The full set of sequences from which data were derived for Table I in Burden *et al.*, 2005 are presented here. Methylation states were inferred using barcoded hairpin-bisulfite PCR, as described in Materials and Methods. Methylated CpG sites are highlighted in red and non-methylated CpG sites in blue. The hairpin linker is gray with yellow-highlighted bases within the linker representing the barcode. Evolutionary divergences both within genomic consensus CpG dyads and at sites not within CpG dyads are also highlighted in yellow. For both examples of evolutionary divergence, information on the complementary strands of individual DNA duplexes distinguishes evolutionary changes from PCR errors, which are highlighted in green. Conversion efficiency of each sequence follows the sequence-identification number above each sequence; non-converted non-CpG cytosines, highlighted in magenta, were observed, but only sequences with $\geq 98.2\%$ conversion of non-CpG cytosines (representing one or zero non-conversion events per sequence) were used for analysis. Dashes within the sequence indicate sequencing errors resulting from uncalled bases.